

Visualisation de molécules avec Libmol.org

Espace de travail

Hémoglobine humaine oxygénée

Sélection par ligne de commande

Sélections prédéfinies
Le bouton masque ou montre le composant

Représentations de la sélection

Colorations de la sélection

Aide contextuelle
(au survol d'une commande)

Remarque : la sélection active et ses propriétés apparaissent en **bleu**

Réglages : couleur arrière plan, plan de coupe,...

Capture d'écran

Mesure de distances

Survol à la souris : nom de l'atome du résidu et de la molécule

Clic gauche : rotation
Clic droit : translation
Molette : zoom

Code couleur de la dernière coloration utilisée
Affichage des noms au **survol**

% atomes sélectionnés et masqués (surbrillance au survol)

Mode séquence

A	B	C	D
VAL	VAL	VAL	VAL
LEU	HIS	LEU	HIS
SER	LEU	SER	LEU
PRO	THR	PRO	THR
ALA	PRO	ALA	PRO
ASP	GLU	ASP	GLU
LYS	GLU	LYS	GLU
THR	LYS	THR	LYS
ASN	SER	ASN	SER
VAL	ALA	VAL	ALA
LYS	VAL	LYS	VAL
ALA	THR	ALA	THR
ALA	ALA	ALA	ALA
TRP	LEU	TRP	LEU
GLY	TRP	GLY	TRP
LYS	GLY	LYS	GLY
VAL	LYC	VAL	LYC

Chaînes du modèle. En **bleu**, chaîne entièrement sélectionnée

Clic droit : masquer/montre un résidu ou une chaîne

Survol d'un résidu ou d'une chaîne : identification et mise en surbrillance

Les résidus sélectionnés apparaissent en **bleu**

Sélections prédéfinies

Modes de représentation appliqués à la sélection

Couleurs appliquées à la sélection

Mesure de distances

Hémoglobine humaine oxygénée

Activer la mesure des distances

Effacer les mesures réalisées

Repérage en **rouge**, des atomes choisis pour la mesure (**clic** pour sélectionner)